

Grippe, SRAS, MERS CoV, etc : pourquoi tous ces virus nouveaux ?

Nouveaux virus détectés depuis 1997

Source : A. Osterhaus, Commission Européenne, FluResp final meeting, Luxembourg, 28 mars 2014

H5N1	grippe aviaire	1997
Hendra-/NipahV	paramyxovirus	2000
hMPV	paramyxovirus	2001
SARS-CoV	coronavirus	2003
H7N7	grippe aviaire	2003
HCoV-NL63	coronavirus	2004
HCoV-HKU1	coronavirus	2005
HBoV	parvovirus	2005
KI/WU-PyV	polyomavirus	2007
MeIV (KamV)	orthoreovirus	2007
H1N1v	grippe pandémique	2009
HPBV	picobirnavirus	2010
H3N2 porcine	influenza virus	2011
MERS-CoV	coronavirus	2012
H7N9, H9, H10...	grippes animales	2013

Au cours des 17 dernières années, 17 nouveaux virus ont été détectés, soit une moyenne d'1 virus/an. A quoi est due cette explosion du nombre des émergences de virus inconnus jusque-là ? Faut-il s'en inquiéter ? Quelles conséquences en pratique ?

- La virologie et les systèmes de surveillance en médecine quotidienne ont fait d'énormes progrès, permettant ainsi une meilleure détection.

- S'en inquiéter ? Sûrement pas car, grâce à la diffusion des informations par internet, l'accès à une information épidémiologique détaillée est devenu possible en temps réel.

- En pratique, la majorité des virus détectés ne provoque, la plupart du temps, que des foyers épidémiques limités. Leur diversité montre que nous ignorons encore beaucoup de choses sur le monde des virus qui nous environnent. L'absence de vaccins ou d'antiviraux contre la plupart d'entre eux confirme que l'hygiène (lavage des mains, port de masque quand on est infecté, etc.) constitue la meilleure prévention.

Source : Open Rome, Commission Européenne, FluResp, Luxembourg, 28 mars 2014

Le Dico du doc



Imprévisible



Caractéristique d'un être vivant ou d'un phénomène dont l'évolution échappe à l'entendement humain.

Un bon exemple : les virus de la grippe du porc.

Grâce aux progrès des techniques biologiques, mathématiques et informatiques, les virologues peuvent décrire dans les moindres détails les gènes de ces virus, leurs constituants, leurs affinités, leur mode de vie, leurs échanges avec les autres virus, les particularités des porcs qui les hébergent, les façons dont ils se transmettent d'un porc à l'autre et des porcs à d'autres espèces d'animaux, les conditions nécessaires à leur transmission aux humains, etc.

Les vétérinaires suivent notamment avec une grande attention les virus grippaux porcins A(H3N2) qui ont provoqué 12 cas humains en 2011 et 296 en 2012. Ils surveillent méticuleusement un grand nombre d'élevages et de marchés et savent que ces virus ont toutes les caractéristiques pouvant provoquer une épidémie humaine mondiale. Malgré toutes ces connaissances, ils sont incapables de dire si ces virus vont provoquer une pandémie et constatent que, pour l'instant il ne se passe rien, alors que tout semble possible.

C'est un des mystères de la nature : tout savoir sur un être vivant ne permet pas forcément de prévoir son devenir.

Source : Maude Bouscambert, Immunologie, GEIG, Paris, 3 avril 2014

Météo antibio

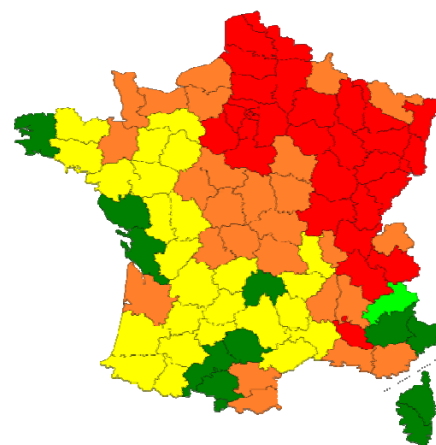
Risques

- Grippe faibles
- Bronchiolite faibles
- Inf respiratoire modérés
- Gastro-entérite faible
- Allergies pollens élevés

Sources : <http://www.grog.org>
et <http://www.pollens.fr>

Remaniement chez les pollens

Le bouleau remplace le cyprès sur le devant de la scène pollinique.



Risque allergique*
□ : nul ■ : très faible ■ : faible ■ : moyen ■ : élevé ■ : très élevé

Source : www.pollens.fr